

Script generated by TTT

Title: Täubig: GAD (08.07.2014)

Date: Tue Jul 08 13:52:40 CEST 2014

Duration: 117:01 min

Pages: 74

Monotone Priority Queues

Beobachtung:

- aktuelles Distanz-Minimum der verbleibenden Knoten ist beim Dijkstra-Algorithmus **monoton wachsend**

Monotone Priority Queue

- Folge der entnommenen Elemente hat **monoton steigende Werte**
- effizientere Implementierung möglich, falls Kantengewichte **ganzzahlig**

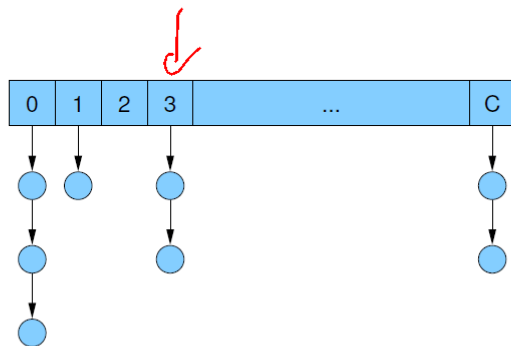
Annahme: alle **Kantengewichte** im Bereich $[0, C]$

Konsequenz für Dijkstra-Algorithmus:

⇒ enthaltene Distanzwerte immer im Bereich $[d, d + C]$

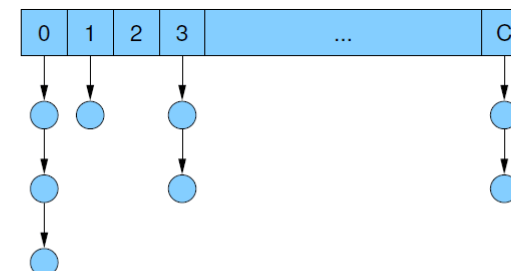
Bucket Queue

- Array **B** aus $C + 1$ Listen
- Variable **d_{min}** für aktuelles Distanzminimum $\text{mod}(C + 1)$



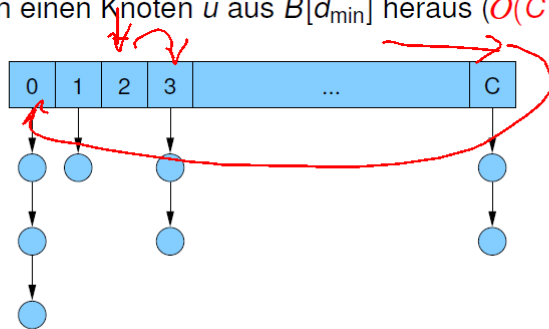
Bucket Queue

- jeder Knoten v mit aktueller Distanz **$d[v]$** in Liste **$B[d[v] \text{ mod } (C + 1)]$**
- alle Knoten in Liste **$B[d]$** haben dieselbe Distanz, weil alle aktuellen Distanzen im Bereich **$[d, d + C]$** liegen



Bucket Queue / Operationen

- **insert(v)**: fügt v in Liste $B[\underline{d[v] \bmod (C + 1)}]$ ein ($O(1)$)
- **decreaseKey(v)**: entfernt v aus momentaner Liste ($O(1)$ falls Handle auf Listenelement in v gespeichert) und fügt v in Liste $B[\underline{d[v] \bmod (C + 1)}]$ ein ($O(1)$)
- **deleteMin()**: solange $B[d_{\min}] = \emptyset$, setze $d_{\min} = (d_{\min} + 1) \bmod (C + 1)$.
Nimm dann einen Knoten u aus $B[d_{\min}]$ heraus ($O(C)$)



Dijkstra mit Bucket Queue

- insert, decreaseKey: $O(1)$
- deleteMin: $O(C)$
- Dijkstra: $O(m + \underline{C \cdot n})$
- lässt sich mit **Radix Heaps** noch verbessern
- verwendet exponentiell wachsende Bucket-Größen
- Details in der Vorlesung Effiziente Algorithmen und Datenstrukturen
- Laufzeit ist dann $O(m + n \log C)$

Beliebige Graphen mit beliebigen Gewichten

Gegeben:

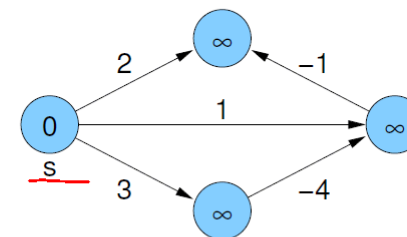
- **beliebiger** Graph mit **beliebigen** Kantengewichten
- ⇒ Anhängen einer Kante an einen Weg kann zur Verkürzung des Weges (Kantengewichtssumme) führen (wenn Kante negatives Gewicht hat)
- ⇒ es kann negative Kreise und Knoten mit Distanz $-\infty$ geben

Problem:

- besuche Knoten eines kürzesten Weges in der richtigen Reihenfolge
- Dijkstra kann nicht mehr verwendet werden, weil Knoten nicht unbedingt in der Reihenfolge der kürzesten Distanz zum Startknoten s besucht werden

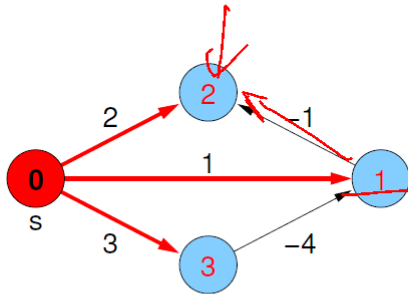
Beliebige Graphen mit beliebigen Gewichten

Gegenbeispiel für Dijkstra-Algorithmus:



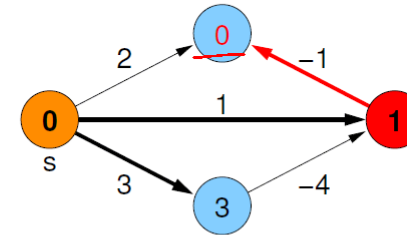
Beliebige Graphen mit beliebigen Gewichten

Gegenbeispiel für Dijkstra-Algorithmus:



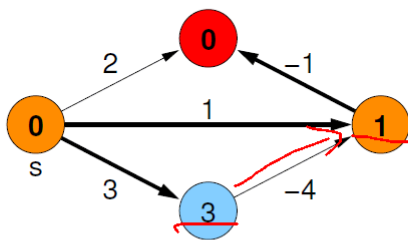
Beliebige Graphen mit beliebigen Gewichten

Gegenbeispiel für Dijkstra-Algorithmus:



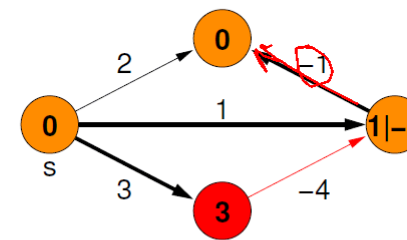
Beliebige Graphen mit beliebigen Gewichten

Gegenbeispiel für Dijkstra-Algorithmus:



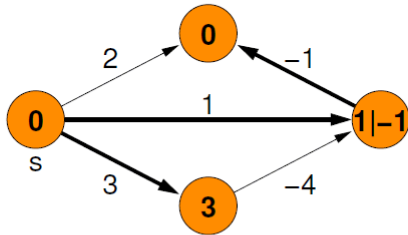
Beliebige Graphen mit beliebigen Gewichten

Gegenbeispiel für Dijkstra-Algorithmus:



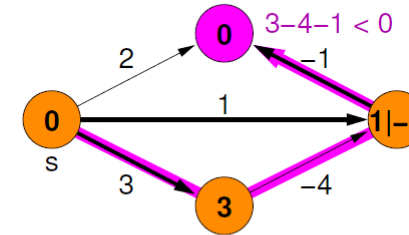
Beliebige Graphen mit beliebigen Gewichten

Gegenbeispiel für Dijkstra-Algorithmus:



Beliebige Graphen mit beliebigen Gewichten

Gegenbeispiel für Dijkstra-Algorithmus:



Beliebige Graphen mit beliebigen Gewichten

Lemma

Für jeden von s erreichbaren Knoten v mit $d(s, v) > -\infty$ gibt es einen einfachen Pfad (ohne Kreis) von s nach v der Länge $d(s, v)$.

Beweis.

Betrachte kürzesten Weg mit Kreis(en):

- Kreis mit Kantengewichtssumme ≥ 0 nicht enthalten:
Entfernen des Kreises würde Kosten verringern
- Kreis mit Kantengewichtssumme = 0:
Entfernen des Kreises lässt Kosten unverändert
- Kreis mit Kantengewichtssumme < 0 :
Distanz von s ist $-\infty$

Bellman-Ford-Algorithmus

Folgerung

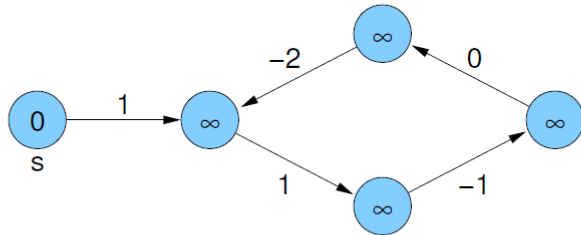
In einem Graph mit n Knoten gibt es für jeden erreichbaren Knoten v mit $d(s, v) > -\infty$ einen kürzesten Weg bestehend aus $< n$ Kanten zwischen s und v .

Strategie:

- anstatt kürzeste Pfade in Reihenfolge wachsender Gewichtssumme zu berechnen, betrachte sie in **Reihenfolge steigender Kantenanzahl**
- durchlaufe $(n-1)$ -mal alle Kanten im Graph und aktualisiere die Distanz
- dann alle kürzesten Wege berücksichtigt

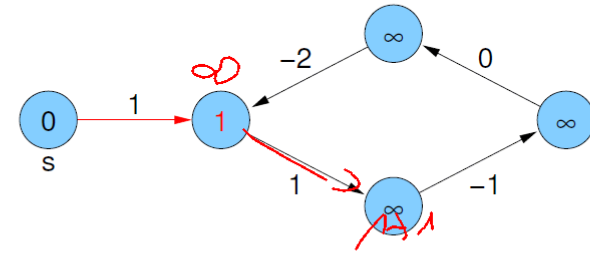
Bellman-Ford-Algorithmus

Problem: Erkennung negativer Kreise



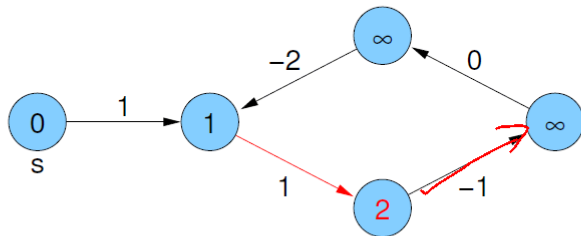
Bellman-Ford-Algorithmus

Problem: Erkennung negativer Kreise



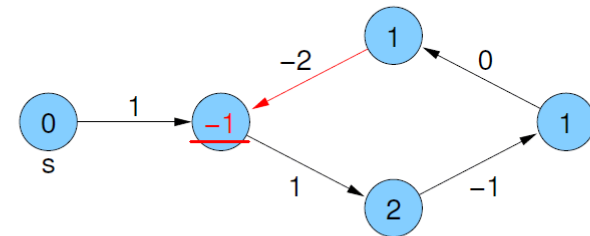
Bellman-Ford-Algorithmus

Problem: Erkennung negativer Kreise



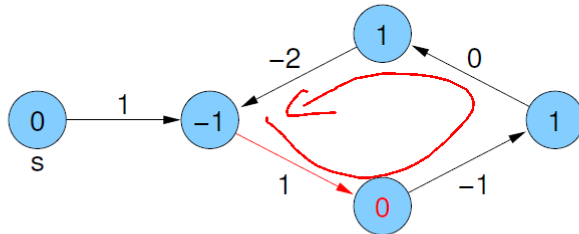
Bellman-Ford-Algorithmus

Problem: Erkennung negativer Kreise



Bellman-Ford-Algorithmus

Problem: Erkennung negativer Kreise



Bellman-Ford-Algorithmus

Keine Distanzverringerng mehr möglich:

- Annahme: zu einem Zeitpunkt gilt für alle Kanten (v, w)
 $d[v] + c(v, w) \geq d[w]$
- ⇒ (per Induktion) für alle Knoten w und jeden Weg p von s nach w gilt: $d[s] + c(p) \geq d[w]$
- falls sichergestellt, dass zu jedem Zeitpunkt für kürzesten Weg p von s nach w gilt $d[w] \geq c(p)$, dann ist $d[w]$ zum Schluss genau die Länge eines kürzesten Pfades von s nach w (also korrekte Distanz)

Bellman-Ford-Algorithmus

Zusammenfassung:

- **keine Distanzverringerng** mehr möglich
 $(d[v] + c(v, w) \geq d[w])$ für alle w):
 fertig, alle $d[w]$ korrekt für alle w
- **Distanzverringerng möglich** selbst noch in n -ter Runde
 $(d[v] + c(v, w) < d[w])$ für ein w):
 Es gibt einen negativen Kreis, also Knoten w mit Distanz $-\infty$.

Bellman-Ford-Algorithmus

```

BellmanFord(Node s) {
  foreach (v ∈ V) d[v] = ∞;
  d[s] = 0; parent[s] = s;
  for (int i = 0; i < n - 1; i++) { // n - 1 Runden
    foreach (e = (v, w) ∈ E)
      if (d[v] + c(e) < d[w]) { // kürzerer Weg?
        d[w] = d[v] + c(e);
        parent[w] = v;
      }
  }
  foreach (e = (v, w) ∈ E)
    if (d[v] + c(e) < d[w]) { // kürzerer Weg in n-ter Runde?
      infect(w);
    }
}

```

Bellman-Ford-Algorithmus

```
infect(Node v) { // -∞-Knoten
  if (d[v] > -∞) {
    d[v] = -∞;
    foreach (e = (v, w) ∈ E)
      infect(w);
  }
}
```

Gesamtlaufzeit: $O(m \cdot n)$

Bellman-Ford-Algorithmus

```
BellmanFord(Node s) {
  foreach (v ∈ V) d[v] = ∞;
  d[s] = 0; parent[s] = s;
  for (int i = 0; i < n - 1; i++) { // n - 1 Runden
    foreach (e = (v, w) ∈ E)
      if (d[v] + c(e) < d[w]) { // kürzerer Weg?
        d[w] = d[v] + c(e);
        parent[w] = v;
      }
  }
  foreach (e = (v, w) ∈ E)
    if (d[v] + c(e) < d[w]) { // kürzerer Weg in n-ter Runde?
      infect(w);
    }
}
```

Bellman-Ford-Algorithmus

```
infect(Node v) { // -∞-Knoten
  if (d[v] > -∞) {
    d[v] = -∞;
    foreach (e = (v, w) ∈ E)
      infect(w);
  }
}
```

Gesamtlaufzeit: $O(m \cdot n)$



Bellman-Ford-Algorithmus

Bestimmung der **Knoten mit Distanz $-\infty$** :

- betrachte alle Knoten, die in der n -ten Phase noch Distanzverbesserung erfahren
- aus jedem Kreis mit negativem Gesamtgewicht muss mindestens ein Knoten dabei sein
- jeder von diesen Knoten aus erreichbare Knoten muss Distanz $-\infty$ bekommen
- das erledigt hier die **infect**-Funktion
- wenn ein Knoten zweimal auftritt (d.h. der Wert ist schon $-\infty$), wird die Rekursion abgebrochen

Bellman-Ford-Algorithmus

Bestimmung eines **negativen Zyklus**:

- bei den oben genannten Knoten sind vielleicht auch Knoten, die nur an negativen Kreisen über ausgehende Kanten angeschlossen sind, die selbst aber nicht Teil eines negativen Kreises sind
- Rückwärtsverfolgung der **parent**-Werte, bis sich ein Knoten wiederholt
- Kanten vom ersten bis zum zweiten Auftreten bilden **einen** negativen Zyklus

Bellman-Ford-Algorithmus

Idee der Updates vorläufiger Distanzwerte: Lester R. Ford Jr.

Verbesserung (Richard E. Bellman / Edward F. Moore):

- benutze **Queue** von Knoten, zu denen ein kürzerer Pfad gefunden wurde und deren Nachbarn an ausgehenden Kanten noch auf kürzere Wege geprüft werden müssen
- wiederhole: nimm ersten Knoten aus der Queue und prüfe für jede ausgehende Kante die Distanz des Nachbarn
falls kürzerer Weg gefunden, aktualisiere Distanzwert des Nachbarn und hänge ihn an Queue an (falls nicht schon enthalten)
- **Phase** besteht immer aus Bearbeitung der Knoten, die **am Anfang** des Algorithmus (bzw. der Phase) in der Queue sind (dabei kommen während der Phase schon neue Knoten ans Ende der Queue) $\Rightarrow \leq n - 1$ Phasen

Kürzeste einfache Pfade bei beliebigen Kantengewichten

Achtung!

Fakt

Die Suche nach kürzesten **einfachen** Pfaden (also ohne Knotenwiederholungen / Kreise) in Graphen mit beliebigen Kantengewichten (also möglichen negativen Kreisen) ist ein **NP-vollständiges Problem**.

(Man könnte Hamilton-Pfad-Suche damit lösen.)

All Pairs Shortest Paths (APSP)

gegeben:

- Graph mit beliebigen Kantengewichten, der aber keine negativen Kreise enthält

gesucht:

- Distanzen / kürzeste Pfade zwischen **allen** Knotenpaaren

Naive Strategie:

- n -mal Bellman-Ford-Algorithmus (jeder Knoten einmal als Startknoten)

$\Rightarrow \underline{O(n^2 \cdot m)}$

APSP / Kantengewichte

Bessere Strategie:

- reduziere n Aufrufe des Bellman-Ford-Algorithmus auf n Aufrufe des Dijkstra-Algorithmus

Problem:

- Dijkstra-Algorithmus funktioniert nur für **nichtnegative** Kantengewichte

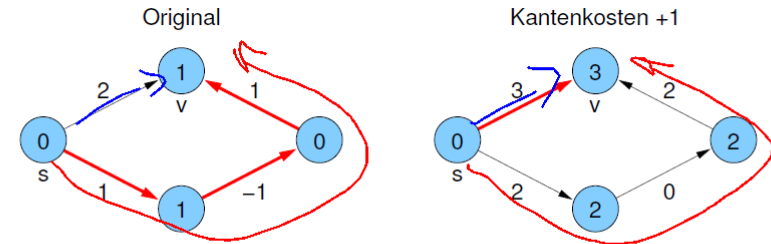
Lösung:

- Umwandlung in nichtnegative Kantenkosten ohne Verfälschung der kürzesten Wege

Naive Modifikation der Kantengewichte

Naive Idee:

- negative Kantengewichte eliminieren, indem auf jedes Kantengewicht der gleiche Wert c addiert wird
- ⇒ **verfälscht** kürzeste Pfade



Knotenpotential

Sei $\phi : V \mapsto \mathbb{R}$ eine Funktion, die jedem Knoten ein **Potential** zuordnet.

Modifizierte Kantenkosten von $e = (v, w)$:

$$\bar{c}(e) = \phi(v) + c(e) - \phi(w)$$



Lemma

Seien p und q Wege von v nach w in G .

~~$c(p)$ und $c(q)$~~ bzw. ~~$\bar{c}(p)$ und $\bar{c}(q)$~~ seien die aufsummierten Kosten bzw. modifizierten Kosten der Kanten des jeweiligen Pfads.

Dann gilt für jedes Potential ϕ :

$$\bar{c}(p) < \bar{c}(q) \Leftrightarrow c(p) < c(q)$$

Knotenpotential

Beweis.

Sei $p = (v_1, \dots, v_k)$ beliebiger Weg und $\forall i: e_i = (v_i, v_{i+1}) \in E$

Es gilt:

$$\begin{aligned} \bar{c}(p) &= \sum_{i=1}^{k-1} \bar{c}(e_i) && \phi(v_1) + c(e_1) - \phi(v_2) \\ & && + \phi(v_2) + c(e_2) - \phi(v_3) \\ & && + \phi(v_3) \dots \\ &= \sum_{i=1}^{k-1} (\phi(v_i) + c(e_i) - \phi(v_{i+1})) \\ &= \phi(v_1) + c(p) - \phi(v_k) \end{aligned}$$

d.h. modifizierte Kosten eines Pfads hängen nur von ursprünglichen Pfadkosten und vom Potential des Anfangs- und Endknotens ab. (Im Lemma ist $v_1 = v$ und $v_k = w$)

□

Potential für nichtnegative Kantengewichte

Lemma

Annahme:

- Graph hat keine negativen Kreise ✓
- alle Knoten von s aus erreichbar ✓

Sei für alle Knoten v das Potential $\phi(v) = d(s, v)$.

Dann gilt für alle Kanten e : $\bar{c}(e) \geq 0$

Beweis.

- für alle Knoten v gilt nach Annahme: $d(s, v) \in \mathbb{R}$ (also $\neq \pm\infty$)
- für jede Kante $e = (v, w)$ ist

$$d(s, v) + c(e) \geq d(s, w)$$

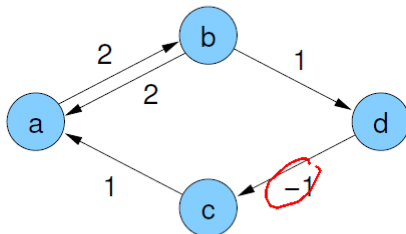
$$\bar{c}(e) = \frac{d(s, v) + c(e) - d(s, w)}{\phi(v) + c(e) - \phi(w)} \geq 0$$

Johnson-Algorithmus für APSP

- füge **neuen Knoten s** und Kanten (s, v) für alle v hinzu mit $c(s, v) = 0$
- ⇒ alle Knoten erreichbar
- berechne $d(s, v)$ mit **Bellman-Ford**-Algorithmus
- setze $\phi(v) = d(s, v)$ für alle v
- berechne modifizierte Kosten $\bar{c}(e)$
- ⇒ $\bar{c}(e) \geq 0$, kürzeste Wege sind noch die gleichen
- berechne für alle Knoten v die Distanzen $\bar{d}(v, w)$ mittels **Dijkstra**-Algorithmus mit modifizierten Kantenkosten auf dem Graph ohne Knoten s
- berechne korrekte Distanzen $d(v, w) = \bar{d}(v, w) + \phi(w) - \phi(v)$

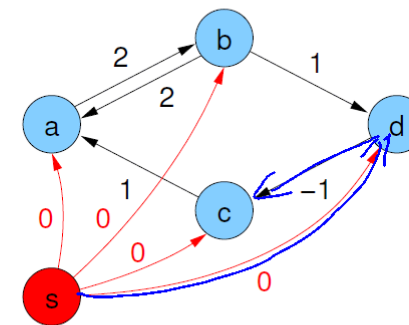
Johnson-Algorithmus für APSP

Beispiel:



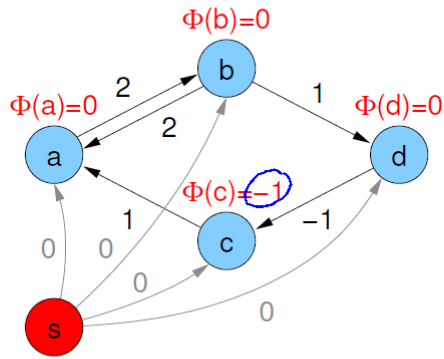
Johnson-Algorithmus für APSP

1. künstlicher Startknoten s :



Johnson-Algorithmus für APSP

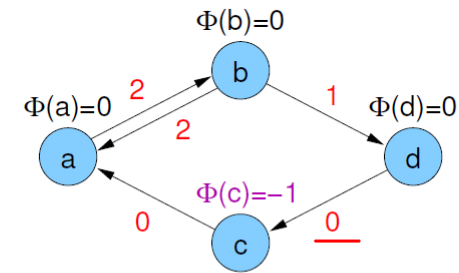
2. Bellman-Ford-Algorithmus auf s:



Johnson-Algorithmus für APSP

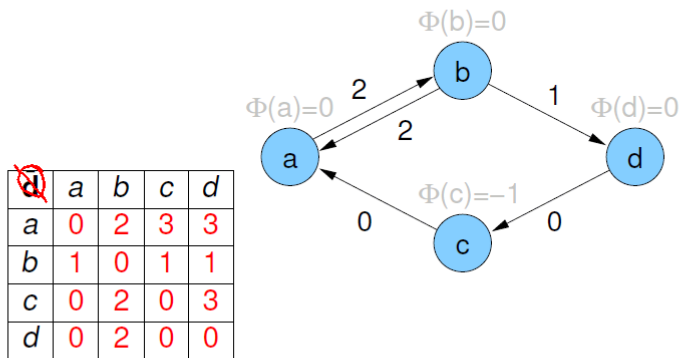
3. $\bar{c}(e)$ -Werte für alle $e = (v, w)$ berechnen:

$$\bar{c}(e) = \Phi(v) + c(e) - \Phi(w)$$



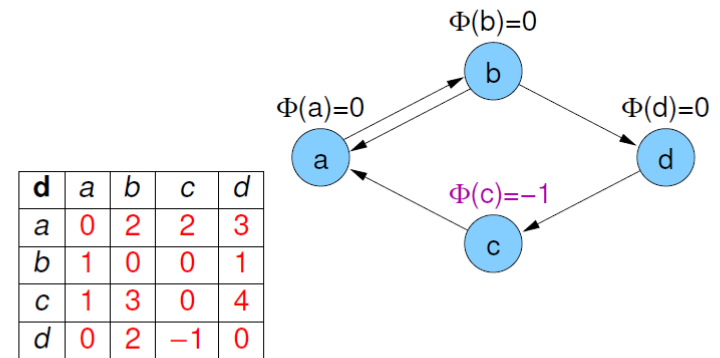
Johnson-Algorithmus für APSP

4. Distanzen \bar{d} mit modifizierten Kantengewichten via Dijkstra:



Johnson-Algorithmus für APSP

5. korrekte Distanzen berechnen: $d(v, w) = \bar{d}(v, w) + \Phi(w) - \Phi(v)$



Johnson-Algorithmus für APSP

Laufzeit:

$$\begin{aligned} T_{\text{Johnson}}(n, m) &= O(T_{\text{Bellman-Ford}}(n+1, m+n) + n \cdot T_{\text{Dijkstra}}(n, m)) \\ &= O((m+n) \cdot (n+1) + n \cdot (n \log n + m)) \\ &= O(m \cdot n + n^2 \log n) \end{aligned}$$

(bei Verwendung von Fibonacci Heaps)



Floyd-Warshall-Algorithmus für APSP



Grundlage:

- geht der kürzeste Weg von u nach w über v , dann sind auch die beiden Teile von u nach v und von v nach w kürzeste Pfade zwischen diesen Knoten
 - Annahme: alle kürzesten Wege bekannt, die nur über Zwischenknoten mit Index kleiner als k gehen
- ⇒ kürzeste Wege über Zwischenknoten mit Indizes bis einschließlich k können leicht berechnet werden:
- ▶ entweder der schon bekannte Weg über Knoten mit Indizes kleiner als k
 - ▶ oder über den Knoten mit Index k (hier im Algorithmus der Knoten v)



Floyd-Warshall-Algorithmus für APSP

Algorithmus Floyd-Warshall: löst APSP-Problem

Eingabe : Graph $G = (V, E)$, $c : E \mapsto \mathbb{R}$

Ausgabe : Distanzen $d(u, v)$ zwischen allen $u, v \in V$

for $u, v \in V$ **do**

$d(u, v) = \infty$; $\text{pred}(u, v) = \perp$;

for $v \in V$ **do** $d(v, v) = 0$;

for $(u, v) \in E$ **do**

$d(u, v) = c(u, v)$; $\text{pred}(u, v) = u$;

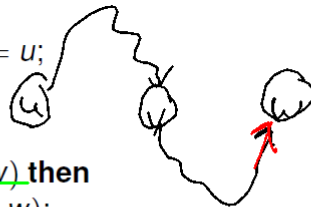
for $v \in V$ **do**

for $\{u, w\} \in V \times V$ **do**

if $d(u, w) > d(u, v) + d(v, w)$ **then**

$d(u, w) = d(u, v) + d(v, w)$;

$\text{pred}(u, w) = \text{pred}(v, w)$;



Floyd-Warshall-Algorithmus für APSP

Algorithmus Floyd-Warshall: löst APSP-Problem

Eingabe : Graph $G = (V, E)$, $c : E \mapsto \mathbb{R}$

Ausgabe : Distanzen $d(u, v)$ zwischen allen $u, v \in V$

for $u, v \in V$ **do**

$d(u, v) = \infty$; $\text{pred}(u, v) = \perp$;

for $v \in V$ **do** $d(v, v) = 0$;

for $(u, v) \in E$ **do**

$d(u, v) = c(u, v)$; $\text{pred}(u, v) = u$;

for $v \in V$ **do**

for $\{u, w\} \in V \times V$ **do**

if $d(u, w) > d(u, v) + d(v, w)$ **then**

$d(u, w) = d(u, v) + d(v, w)$;

$\text{pred}(u, w) = \text{pred}(v, w)$;



Floyd-Warshall-Algorithmus für APSP

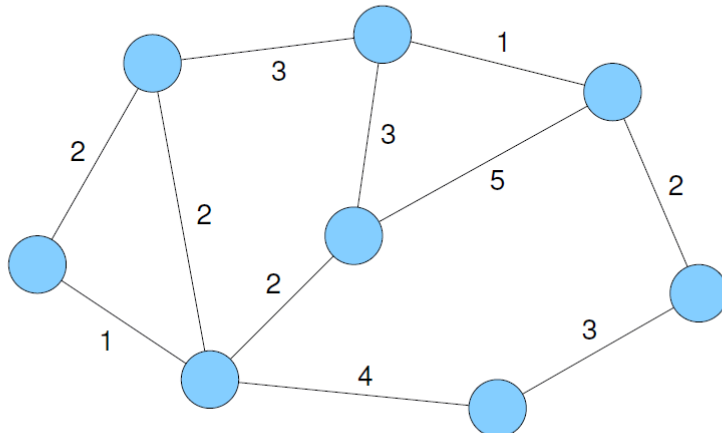
- Komplexität: $O(n^3)$
- funktioniert auch, wenn Kanten mit negativem Gewicht existieren
- Kreise negativer Länge werden nicht direkt erkannt und verfälschen das Ergebnis, sind aber indirekt am Ende an negativen Diagonaleinträgen der Distanzmatrix erkennbar

Übersicht

- 9 Graphen
 - Netzwerke und Graphen
 - Graphrepräsentation
 - Graphtraversierung
 - Kürzeste Wege
 - Minimale Spannbäume

Minimaler Spannbaum

Frage: Welche Kanten nehmen, um mit minimalen Kosten alle Knoten zu verbinden?



Minimaler Spannbaum

Eingabe:

- ungerichteter Graph $G = (V, E)$
- Kantenkosten $c : E \mapsto \mathbb{R}_+$

Ausgabe:

- Kantenmenge $T \subseteq E$, so dass Graph (V, T) verbunden und $c(T) = \sum_{e \in T} c(e)$ minimal

Beobachtung:

- T formt immer einen **Baum** (wenn Kantengewichte echt positiv)

⇒ Minimaler Spannbaum (MSB) / Minimum Spanning Tree (MST)

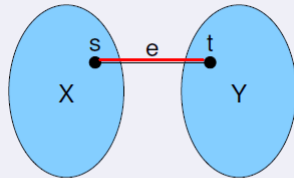
Minimaler Spannbaum

Lemma

Sei

- (X, Y) eine **Partition** von V (d.h. $X \cup Y = V$ und $X \cap Y = \emptyset$) und
- $e = \{s, t\}$ eine **Kante mit minimalen Kosten** mit $s \in X$ und $t \in Y$.

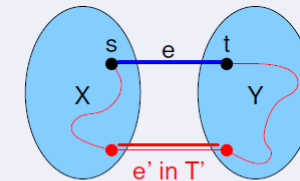
Dann gibt es einen minimalen Spannbaum T , der e enthält.



Minimaler Spannbaum

Beweis.

- gegeben X, Y und $e = \{s, t\}$: (X, Y) -Kante minimaler Kosten
- betrachte beliebigen MSB T' , der e nicht enthält
- betrachte **Verbindung zwischen s und t in T'** , darin muss es mindestens eine Kante e' zwischen X und Y geben



- Ersetzung von e' durch e führt zu Baum T'' , der höchstens Kosten von MSB T' hat (also auch ein MSB ist)



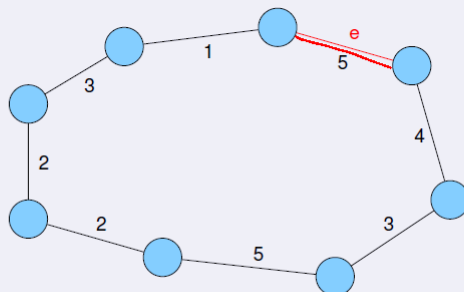
Minimaler Spannbaum

Lemma

Betrachte

- beliebigen **Kreis C** in G
- eine Kante e in C mit **maximalen Kosten**

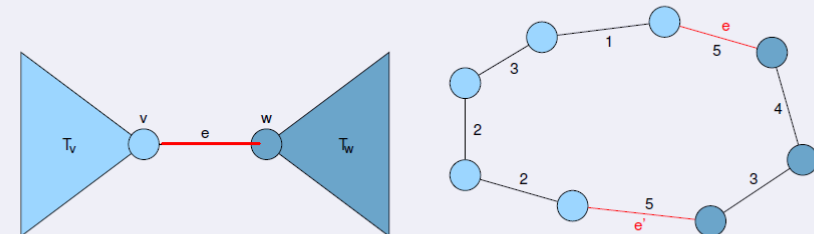
Dann ist jeder MSB in G ohne e auch ein MSB in G



Minimaler Spannbaum

Beweis.

- betrachte beliebigen MSB T in G
- Annahme: T enthält e

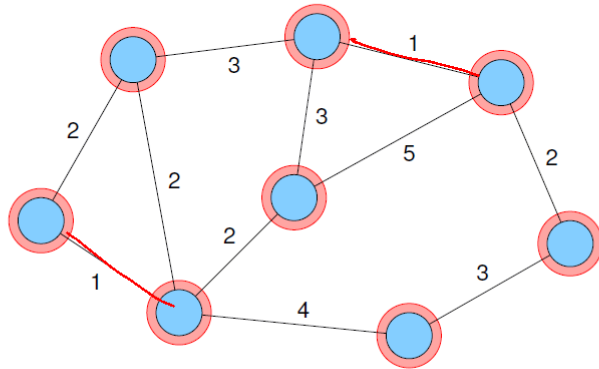


- es muss (mindestens) eine weitere Kante e' in C geben, die einen Knoten aus T_v mit einem Knoten aus T_w verbindet
- Ersetzen von e durch e' ergibt einen Baum T' dessen Gewicht nicht größer sein kann als das von T , also ist T' auch MSB

Minimaler Spannbaum

Regel:

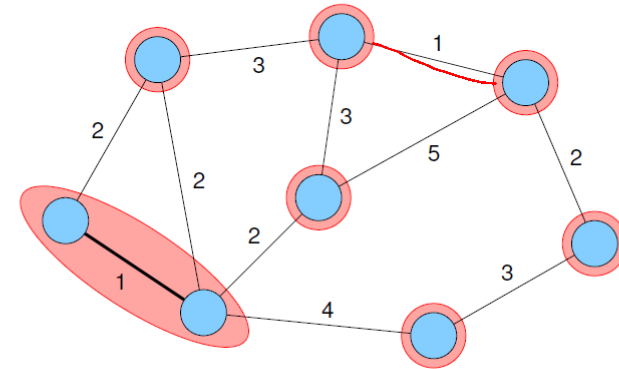
- wähle wiederholt Kante mit minimalen Kosten, die zwei Zusammenhangskomponenten verbindet
- bis nur noch eine Zusammenhangskomponente übrig ist



Minimaler Spannbaum

Regel:

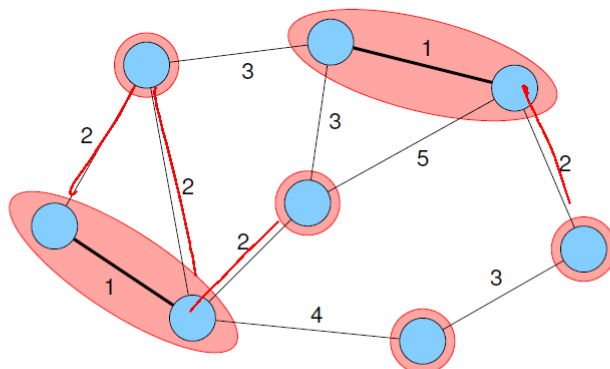
- wähle wiederholt Kante mit minimalen Kosten, die zwei Zusammenhangskomponenten verbindet
- bis nur noch eine Zusammenhangskomponente übrig ist



Minimaler Spannbaum

Regel:

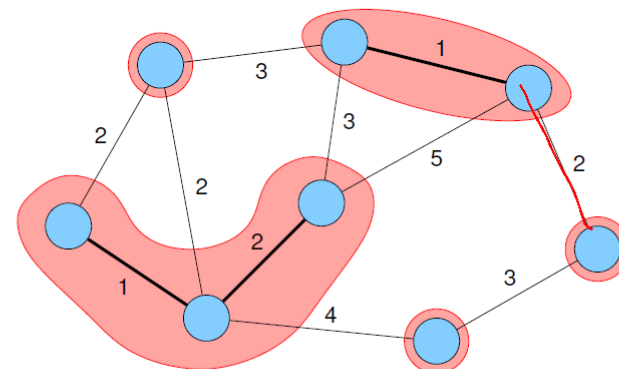
- wähle wiederholt Kante mit minimalen Kosten, die zwei Zusammenhangskomponenten verbindet
- bis nur noch eine Zusammenhangskomponente übrig ist



Minimaler Spannbaum

Regel:

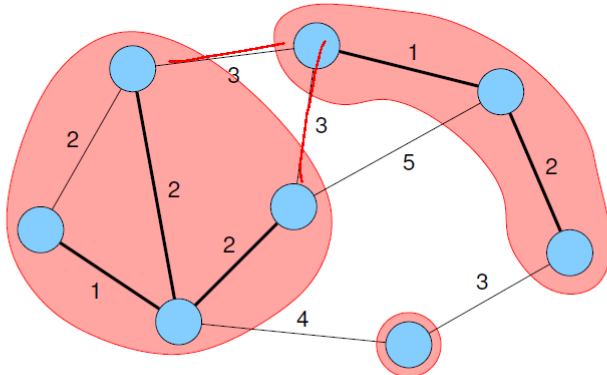
- wähle wiederholt Kante mit minimalen Kosten, die zwei Zusammenhangskomponenten verbindet
- bis nur noch eine Zusammenhangskomponente übrig ist



Minimaler Spannbaum

Regel:

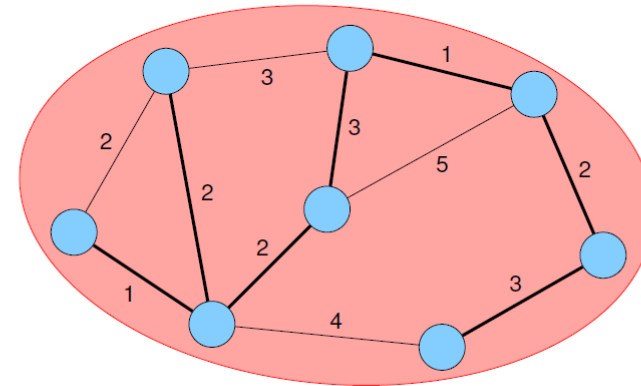
- wähle wiederholt Kante mit minimalen Kosten, die zwei Zusammenhangskomponenten verbindet
- bis nur noch eine Zusammenhangskomponente übrig ist



Minimaler Spannbaum

Regel:

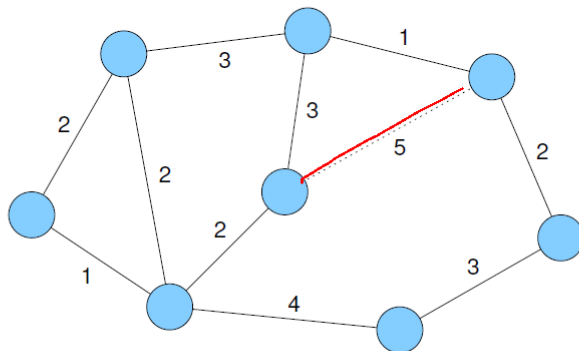
- wähle wiederholt Kante mit minimalen Kosten, die zwei Zusammenhangskomponenten verbindet
- bis nur noch eine Zusammenhangskomponente übrig ist



Minimaler Spannbaum

Regel:

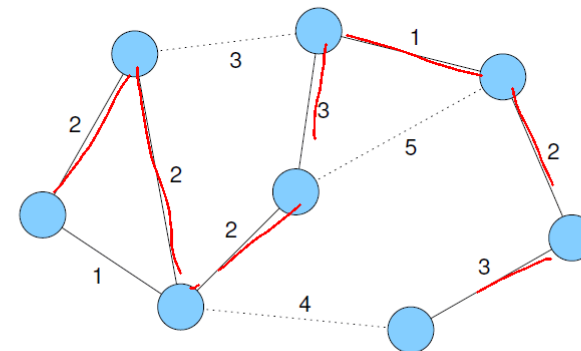
- lösche wiederholt Kante mit maximalen Kosten, so dass Zusammenhang nicht zerstört
- bis ein Baum übrig ist



Minimaler Spannbaum

Regel:

- lösche wiederholt Kante mit maximalen Kosten, so dass Zusammenhang nicht zerstört
- bis ein Baum übrig ist



Minimaler Spannbaum

Problem: Wie implementiert man die Regeln effizient?

Strategie aus dem ersten Lemma:

- **sortiere** Kanten aufsteigend nach ihren Kosten
- **setze** $T = \emptyset$ (leerer Baum)
- **teste** für jede Kante $\{u, v\}$ (in aufsteigender Reihenfolge), ob u und v schon in einer Zusammenhangskomponente (also im gleichen Baum) sind
- falls nicht, füge $\{u, v\}$ zu T hinzu (nun sind u und v im gleichen Baum)



Algorithmus von Kruskal

```
Set<Edge> MST_Kruskal (V, E, c) {
  T = ∅;
  S = sort(E); // aufsteigend sortieren
  foreach (e = {u, v} ∈ S)
    → if (u und v in verschiedenen Bäumen in T)
       T = T ∪ e;
  return T;
}
```

Problem:

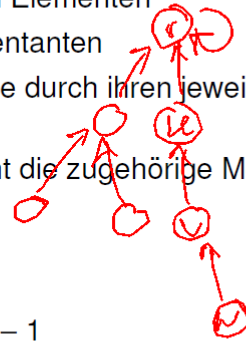
- Umsetzung des Tests auf gleiche / unterschiedliche Zusammenhangskomponente



Union-Find-Datenstruktur

Union-Find-Problem:

- gegeben sind (disjunkte) Mengen von Elementen
- jede Menge hat genau einen Repräsentanten
- **union** soll zwei Mengen vereinigen, die durch ihren jeweiligen Repräsentanten gegeben sind
- **find** soll zu einem gegebenen Element die zugehörige Menge in Form des Repräsentanten finden



Anwendung:

- Knoten seien nummeriert von 0 bis $n - 1$
- Array `int parent[n]`, Einträge verweisen Richtung Repräsentant
- anfangs `parent[i]=i` für alle i



Union-Find-Datenstruktur

```
int find(int i) {
  if (parent[i] == i) return i; // ist i Wurzel des Baums?
  else { // nein
    k = find(parent[i]); // suche Wurzel
    parent[i] = k; // zeige direkt auf Wurzel
    return k; // gibt Wurzel zurück
  }
}

union(int i, int j) {
  int ri = find(i);
  int rj = find(j); // suche Wurzeln
  if (ri != rj)
    parent[rj] = ri; // vereinigen
}
```



Algorithmus von Kruskal

```

Set<Edge> MST_Kruskal (V, E, c) {
    T = ∅;
    S = sort(E); // aufsteigend sortieren
    for (int i = 0; i < |V|; i++)
        parent[i] = i;
    foreach (e = {u, v} ∈ S)
        if (find(u) ≠ find(v)) {
            T = T ∪ e;
            union(u, v); // Bäume von u und v vereinigen
        }
    return T;
}

```

Gewichtete union-Operation mit Pfadkompression

- Laufzeit von find hängen von der **Höhe des Baums** ab
 - deshalb wird am Ende von find jeder Knoten auf dem Suchpfad direkt unter die Wurzel gehängt, damit die Suche beim nächsten Mal direkt zu diesem Knoten kommt (**Pfadkompression**)
 - weiterhin sollte bei union der niedrigere Baum unter die Wurzel des höheren gehängt werden (**gewichtete Vereinigung**)
- ⇒ Höhe des Baums ist dann $O(\log n)$

Gewichtete union-Operation

```

union(int i, int j) {
    int ri = find(i);
    int rj = find(j); // suche Wurzeln
    if (ri ≠ rj)
        if (height[ri] < height[rj])
            parent[ri] = rj;
        else {
            parent[rj] = ri;
            if (height[ri] == height[rj])
                height[ri]++;
        }
}

```

union / find - Kosten

Situation:

- Folge von union / find -Operationen auf einer Partition von n Elementen, darunter $n - 1$ union-Operationen

Komplexität:

- amortisiert $\log^* n$ pro Operation, wobei

$$\log^* n = \min\{i \geq 1 : \underbrace{\log \log \dots \log n}_{i\text{-mal}} \leq 1\}$$

- bessere obere Schranke: mit inverser Ackermannfunktion (Vorlesung Effiziente Algorithmen und Datenstrukturen I)
- Gesamtkosten für Kruskal-Algorithmus: $O(m \log n)$ (Sortieren)

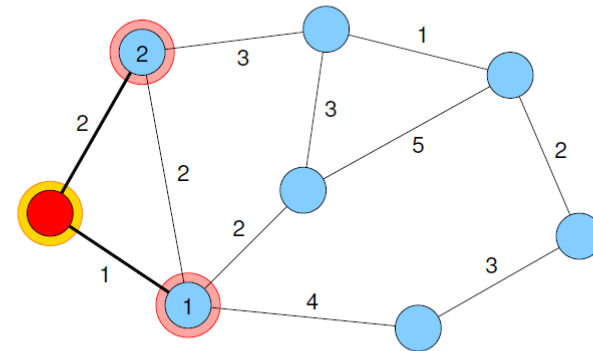
Algorithmus von Prim

Problem: Wie implementiert man die Regeln effizient?

Alternative Strategie aus dem ersten Lemma:

- betrachte wachsenden Baum T , anfangs bestehend aus beliebigem einzelnen Knoten s
- füge zu T eine Kante mit minimalem Gewicht von einem Baumknoten zu einem Knoten außerhalb des Baums ein (bei mehreren Möglichkeiten egal welche)
- ⇒ Baum umfasst jetzt 1 Knoten/Kante mehr
- wiederhole Auswahl bis alle n Knoten im Baum

Algorithmus von Prim



Jarník-Prim-Algorithmus

Laufzeit:

$$O(n \cdot (T_{\text{insert}}(n) + T_{\text{deletMin}}(n)) + m \cdot T_{\text{decreaseKey}}(n))$$

Binärer Heap:

- alle Operationen $O(\log n)$, also
- gesamt: $O((m + n) \log n)$

Fibonacci-Heap: amortisierte Kosten

- $O(1)$ für insert und decreaseKey,
- $O(\log n)$ deleteMin
- gesamt: $O(m + n \log n)$